Suplementary Table 2. CpGs included in each differentially methylated region (DMR) analyzed in Smith et al. (2024)

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Protein** | **DMR (hg19\*)** | **CpG ID** | **meta-analysis**  **(w/ AT status)** | | **meta-analysis (wo/ AT status)** | |
| **coefficient** | **p value** | **coefficient** | **p value** |
| YKL-40 | chr1:203155737-203156784 | cg03625911 | −1.31 × 10−2 | 2.80 × 10−15 | −1.12 × 10−2 | 5.24 × 10−14 |
| cg25482438 | −1.04 × 10−2 | 4.12 × 10−15 | −8.33 × 10−3 | 1.05 × 10−12 |
| cg14085262 | −1.40 × 10−2 | 3.05 × 10−17 | −1.20 × 10−2 | 4.54 × 10−16 |
| cg17014757 | −4.64 × 10−2 | 3.69 × 10−17 | −3.68 × 10−2 | 3.89 × 10−14 |
| cg07423149 | −2.19 × 10−2 | 1.45 × 10−17 | −1.77 × 10−2 | 6.92 × 10−15 |
| cg02097014 | −5.56 × 10−3 | 1.32 × 10−8 | −4.61 × 10−3 | 1.66 × 10−7 |
| cg19081101 | −5.37 × 10−3 | 8.95 × 10−3 | −4.23 × 10−3 | 2.06 × 10−2 |
| cg08768186 | −9.88 × 10−3 | 4.46 × 10−12 | −7.36 × 10−3 | 1.10 × 10−8 |
| chr17:14206774-14207036 | cg09570958 | −5.63 × 10−5 | 9.73 × 10−1 | −2.94 × 10−5 | 9.84 × 10−1 |
| cg20152539 | 2.00 × 10−3 | 4.69 × 10−1 | 3.68 × 10−4 | 8.82 × 10−1 |
| cg06005844 | 4.77 × 10−4 | 7.46 × 10−1 | −2.68 × 10−4 | 8.39 × 10−1 |
| cg26418770 | −5.95 × 10−5 | 9.71 × 10−1 | −5.63 × 10−4 | 7.00 × 10−1 |
| cg26572811 | −8.00 × 10−4 | 7.20 × 10−1 | −1.92 × 10−3 | 3.43 × 10−1 |
| cg14016875 | −2.84 × 10−4 | 8.93 × 10−1 | −7.42 × 10−4 | 6.94 × 10−1 |
| cg13443605 | 4.08 × 10−4 | 8.40 × 10−1 | 2.55 × 10−4 | 8.86 × 10−1 |
| chr10:94820892-94820988 | cg01416891 | 2.05 × 10−3 | 2.45 × 10−1 | 1.91 × 10−3 | 2.22 × 10−1 |
| cg05219493 | 1.83 × 10−3 | 5.86 × 10−1 | 9.92 × 10−4 | 7.38 × 10−1 |
| cg17743250 | 1.37 × 10−3 | 7.09 × 10−1 | 1.18 × 10−3 | 7.16 × 10−1 |
| cg25083618 | −2.02 × 10−4 | 9.29 × 10−1 | −6.24 × 10−4 | 7.57 × 10−1 |
| NfL | chr11:112037969-112038173 | cg23831217 | 1.41 × 10−5 | 9.60 × 10−1 | −3.41 × 10−5 | 8.97 × 10−1 |
| cg22399458 | 1.45 × 10−4 | 6.45 × 10−1 | 2.03 × 10−4 | 4.92 × 10−1 |
| cg26710388 | −4.47 × 10−5 | 8.32 × 10−1 | −3.31 × 10−5 | 8.68 × 10−1 |
| cg01041934 | 9.88 × 10−5 | 5.88 × 10−1 | 1.49 × 10−4 | 3.84 × 10−1 |
| cg26312542 | 5.19 × 10−4 | 7.42 × 10−1 | 8.46 × 10−4 | 5.71 × 10−1 |
| cg07809301 | −4.83 × 10−4 | 4.25 × 10−1 | −1.69 × 10−4 | 7.66 × 10−1 |
| chr15:45315202-45315438 | cg18640509 | 1.47 × 10−4 | 2.51 × 10−1 | 1.17 × 10−4 | 3.33 × 10−1 |
| cg02991474 | −6.01 × 10−6 | 9.78 × 10−1 | −6.48 × 10−5 | 7.57 × 10−1 |
| cg18647927 | 9.21 × 10−5 | 3.44 × 10−1 | 5.55 × 10−5 | 5.45 × 10−1 |
| cg03026420 | 2.54 × 10−4 | 1.24 × 10−2 | 2.02 × 10−4 | 3.32 × 10−2 |
| cg00891891 | −3.26 × 10−5 | 6.89 × 10−1 | −1.14 × 10−5 | 8.83 × 10−1 |
| cg22296620 | 1.03 × 10−4 | 1.51 × 10−1 | 8.70 × 10−5 | 1.96 × 10−1 |
| cg26196700 | 9.27 × 10−5 | 2.77 × 10−1 | 4.73 × 10−5 | 5.56 × 10−1 |
| cg17377818 | 2.63 × 10−4 | 2.83 × 10−2 | 1.39 × 10−4 | 2.21 × 10−1 |
| chr1:153599573-153599831 | cg06562291 | −3.21 × 10−3 | 3.84 × 10−1 | −3.36 × 10−3 | 3.35 × 10−1 |
| cg17776284 | −1.52 × 10−3 | 7.25 × 10−1 | −1.78 × 10−3 | 6.64 × 10−1 |
| cg13946767 | −2.20 × 10−3 | 7.15 × 10−1 | −3.36 × 10−3 | 5.58 × 10−1 |
| cg11343894 | −4.64 × 10−3 | 4.88 × 10−1 | −6.44 × 10−3 | 3.08 × 10−1 |
| cg27469660 | −3.33 × 10−3 | 5.58 × 10−1 | −4.44 × 10−3 | 4.07 × 10−1 |
| cg11915664 | −3.92 × 10−3 | 2.77 × 10−1 | −4.30 × 10−3 | 2.07 × 10−1 |
| cg11596404 | −1.63 × 10−3 | 7.30 × 10−1 | −2.44 × 10−3 | 5.86 × 10−1 |
| cg19335413 | −2.98 × 10−3 | 4.11 × 10−1 | −2.83 × 10−3 | 4.08 × 10−1 |
| cg02873163 | −7.21 × 10−3 | 2.79 × 10−1 | −7.99 × 10−3 | 2.06 × 10−1 |
| cg02331910 | −5.22 × 10−3 | 3.36 × 10−1 | −5.93 × 10−3 | 2.49 × 10−1 |
| chr7:106301534-106301660 | cg21496408 | 4.95 × 10−4 | 3.80 × 10−2 | 4.08 × 10−4 | 6.97 × 10−2 |
| cg19910754 | 6.11 × 10−4 | 1.13 × 10−1 | 5.31 × 10−4 | 1.44 × 10−1 |
| cg05364750 | 2.64 × 10−4 | 1.52 × 10−1 | 3.07 × 10−4 | 7.80 × 10−2 |
| chr11:89867809-89867976 | cg12403137 | −7.46 × 10−4 | 4.32 × 10−1 | −5.91 × 10−4 | 5.09 × 10−1 |
| cg05500015 | −1.18 × 10−3 | 1.96 × 10−1 | −1.16 × 10−3 | 1.80 × 10−1 |
| cg09584827 | −1.47 × 10−3 | 1.09 × 10−1 | −1.39 × 10−3 | 1.07 × 10−1 |
| cg14304817 | −9.99 × 10−4 | 6.51 × 10−2 | −7.55 × 10−4 | 1.42 × 10−1 |
| cg21500966 | −1.03 × 10−3 | 7.06 × 10−2 | −1.43 × 10−3 | 7.47 × 10−3 |
| chr2:220110237-220110385 | cg03927520 | 6.95 × 10−4 | 2.79 × 10−1 | 8.13 × 10−4 | 1.80 × 10−1 |
| cg14909250 | −6.18 × 10−4 | 5.97 × 10−2 | −4.97 × 10−4 | 1.11 × 10−1 |
| cg15552619 | −1.83 × 10−5 | 8.07 × 10−1 | 1.26 × 10−7 | 9.99 × 10−1 |
| cg06409997 | −2.48 × 10−5 | 6.78 × 10−1 | −1.28 × 10−5 | 8.23 × 10−1 |
| cg08025512 | −9.91 × 10−5 | 1.49 × 10−1 | −8.72 × 10−5 | 1.77 × 10−1 |
| chr3:74316889-74316993 | cg22082501 | −2.77 × 10−3 | 4.52 × 10−1 | −2.95 × 10−3 | 3.91 × 10−1 |
| cg08704466 | 9.68 × 10−4 | 8.13 × 10−1 | 1.02 × 10−5 | 9.98 × 10−1 |
| cg26802685 | −1.33 × 10−3 | 7.43 × 10−1 | −2.56 × 10−3 | 5.02 × 10−1 |
| chr5:23507562-23507617 | cg22603366 | 3.56 × 10−3 | 1.49 × 10−1 | 3.48 × 10−3 | 1.41 × 10−1 |
| cg09166973 | 3.90 × 10−3 | 3.47 × 10−1 | 4.85 × 10−3 | 2.23 × 10−1 |
| cg07011961 | 6.76 × 10−3 | 1.45 × 10−1 | 8.20 × 10−3 | 6.50 × 10−2 |
| cg25472530 | 6.26 × 10−3 | 2.43 × 10−1 | 6.33 × 10−3 | 2.15 × 10−1 |

\*Note: positions are based on the hg19 genome assembly